

BOLEZNI BOROVIH IGLIC V SLOVENIJI, KI JIH POVZRO AJO GLIVE IZ RODU *Mycosphaerella*

Barbara PIŠKUR¹, Tine HAUPTMAN², Nikica OGRIS³, Dušan JURC⁴

Gozdarski inštitut Slovenije, Oddelek za varstvo gozdov, Ljubljana

IZVLE EK

Bore (*Pinus* spp.) pri nas pogosto poškodujejo številne avtohtone bolezni in škodljivci, posebno velika nevarnost pa jim grozi zaradi vnosa tujerodnih škodljivih organizmov. Predvidena škoda ob vnosu le-teh bo seštevek neposrednih škod zaradi poškodb in rigoroznih ukrepov za njihovo zatiranje ali prepre evanje širjenja, ki lahko dodatno izjemno negativno vplivajo na gozd. Dolo eni škodljivi organizmi so že prepoznani in uvrš eni na sezname Direktive Sveta št. 2000/29/ES in Evropske in mediteranske organizacije za varstvo rastlin (EPPO). Med njimi najdemo tudi dve bolezni: rjavenje borovih iglic, ki ga povzro a gliva *Mycosphaerella dearnessii* (anamorf *Lecanosticta acicola*) in rde o pegavost borovih iglic, ki jo povzro ata morfološko podobni vrsti *Dothistroma septosporum* (teleomorf *M. pini*) in *D. pini* (teleomorf ni znan). Povzro iteljici rde e pegavosti borovih iglic so identificirali šele leta 2004 in lo iti ju je mogo e le s primerjavo molekularnih podatkov. Vse tri vrste gliv niso splošno razširjene v Evropi. V zadnjem asu sta se pove ali obseg razširjenosti in intenziteta bolezni zaradi vrst iz rodu *Dothistroma*, predvsem v Angliji in severnih državah. Novejše genetske analize kažejo, da je za nadaljnji razvoj bolezni pomembno, ali bo v evropski prostor vnesen do sedaj neodkrit paritveni tip *D. pini*, kar bi povzro ilo ve jo genetsko variabilnost in ve jo možnost nastanka bolj patogenih oblik te glive. V letu 2012 smo zato v okviru posebnega nadzora spremljali zastopanost in vrstno sestavo gliv iz rodu *Dothistroma* in glive *M. dearnessii* v Sloveniji. Rezultati se ujemajo z izsledki podobnih raziskav v Evropi in dopolnjujejo poznavanje razširjenosti glive *D. pini*. Poleg tega so rezultati nakazali, da je spremljanje škodljivih organizmov pomembna osnova za ukrepanje ob najdbi bolezni oziroma pri njenem zatiranju.

57

Klju ne besede: bolezni iglic, bori, *Dothistroma*, gozdovi

ABSTRACT

PINE NEEDLE DISEASES IN SLOVENIA, CAUSED BY FUNGI FROM THE *Mycosphaerella* GENUS

In Slovenia, pines (*Pinus* spp.) are frequently damaged by numerous autochthonous diseases and pests, but introductions of alien harmful organisms represent even higher dangers for pine trees. Estimated loss as a consequence of these introductions will be a sum of direct losses connected to the disease or damages and losses connected to rigorous measures taken to eradicate or to prevent the disease expansion, which could additionally negatively affect our forests. Some of these harmful organisms are already recognized and listed on the lists of the Council Directive 2000/29/EC and of the European and Mediterranean Plant Protection Organization (EPPO). Among them the following two

¹ dr., Večna pot 2, SI-1000 Ljubljana

² univ. dipl. inž. gozd., prav tam

³ dr., prav tam

⁴ prof. dr., prav tam

diseases are found: brown spot needle blight caused by *Mycosphaerella dearnessii* (anamorph *Lecanosticta acicola*) and red band needle blight caused by two morphologically similar species *Dothistroma septosporum* (teleomorph *M. pini*) and *D. pini* (teleomorph unknown). The latter two species were identified in 2004 and can only be identified based on molecular data. All three mentioned species are not widely spread in Europe. But in the recent years the extent and the intensity of the disease, caused by *Dothistroma* species have increased, especially in England and Nordic countries. Latest genetic analyses have shown that for further disease development in Europe import of a not yet present mating type would be critical. This would trigger a higher genetic variability and the possibility of new pathogenic strains would be enhanced. Subsequently, a monitoring of the presence and diversity of *Dothistroma* fungi and *M. dearnessii* has been performed in 2012 in Slovenia in the context of the National survey program. The results of this survey are in accordance of the similar surveys performed in Europe and supplement the existing knowledge about the *D. pini* distribution. Also, the results indicate the value of regular monitoring, which could serve as an important basis for possible actions at disease outbreaks or to limit the disease spread.

Key words: needle diseases, pines, *Dothistroma*, forests

1 UVOD

Rjavenje borovih iglic (ang. brown spot needle blight) povzroča gliva *Mycosphaerella dearnessii* M. E. Barr (anamorf *Lecanosticta acicola* [Thümén] H. Sydow). Bolezen najverjetneje izvira iz Severne Amerike, je pa bila odkrita na posameznih lokacijah v Evropi (EPPO, 2008, 2013). V Sloveniji je bila najdena v letih 2008 in 2009 v Ljubljani in na Bledu na rušju (*Pinus mugo* Turra) in redcem boru (*Pinus sylvestris* L.) (Jurc in Jurc, 2010); okužena drevesa so bila uni ena in trenutni uradni status bolezni v Sloveniji je prehoden in pod nadzorom (EPPO, 2013).

Rdeča pegavost borovih iglic (ang. red band needle blight / *Dothistroma* needle blight) povzročata dve morfološko podobni glivi *Dothistroma septosporum* (Dorog.) Morelet (teleomorf *Mycosphaerella pini* Rostr.) in *D. pini* Hulbary (teleomorf ni znan), ki ju lahko ločimo le na osnovi molekularnih podatkov. Vrsti sta bili do leta 2004 obravnavani kot ena vrsta (Barnes in sod., 2004). Taksonomska zgodovina omenjene vrste je zapletena. Če povzamemo, je bila anamorfna oblika glive v Ameriki poimenovana *D. pini*, v Evropi pa *Cytosporina septosporum* Dorog. (Doroguine, 1911; Barnes in sod., 2004). Šele leta 1968 sta Gremmen (1968) in Morelet (1968) ugotovila, da sta glivi *C. septosporum* in *D. pini* morfološko identični in posledi so je bila vrsta preimenovana v *D. septosporum*. Leta 2004 pa Barnes in sod. (2004) na osnovi primerjav več genetskih regij ugotovili, da je omenjena vrsta pravzaprav kompleks dveh kriptnih vrst: *D. pini* in *D. septosporum*. Vrsta *D. septosporum* je splošno razširjena, vrsto *D. pini* pa so do sedaj ugotovili le na posameznih lokacijah v Severni Ameriki, Madžarski, Franciji, Ukrajini in Rusiji (Barnes in sod., 2011). V zadnjem času sta se povečali obseg razširjenosti in intenzivnost bolezni zaradi vrst iz rodu *Dothistroma*, predvsem v Angliji in severnih evropskih državah (Barnes in sod., 2011). Novejše genetske analize kažejo, da je za nadaljnji razvoj bolezni pomembno, ali bo v evropski prostor vnesen do sedaj neodkrit paritveni tip *D. pini*, kar bi povzročilo večjo genetsko variabilnost in večjo možnost nastanka bolj patogenih oblik teh gliv (Barnes in sod., 2011). V Sloveniji je bila prva uradna zabeležka rdečega pegavosti borovih iglic leta 1971 (Maček, 1975), in sicer na rednem boru v okolici Ljubljane in Škofje Loke. V zadnjih letih tudi v Sloveniji opažamo posami ne morebitno okužene sestojte z rdečo pegavostjo borovih iglic (Jurc, 2007).

V prispevku bomo predstavili ključne ugotovitve spremljanja prisotnosti gliv *M. dearnessii* in *D. pini* ter *D. septosporum* v Sloveniji v letu 2012, ko je potekal Posebni nadzor za glivi

Mycosphaerella dearnessii in *Mycosphaerella pini*. Vklju eni so tudi podatki spremljanja iz prejšnjih let ter podatki o paritvenih tipih.

2 MATERIALI IN METODE

Posebni nadzor za glive *M. dearnessii* in *D. septosporum* ter *D. pini* je potekal na celotnem ozemlju Republike Slovenije v letu 2012. Predmet pregleda so bile vse znane gostiteljske rastline za omenjene vrste gliv (rni bor, rde i bor, rušje, ostale vrste borov ter duglazija, evropski macesen in navadna smreka). Pozornost smo namenjali predvsem vsem vrstam borov, kjer je bil opažen osip iglic in rjavo ali rdeč barvanje iglic ter temno rdeč i trakovi, ki so obdajali iglico ter vsem gostiteljskim rastlinam s povečano stopnjo osutosti krošnje. Po odvzemu vzorcev smo zaradi možnosti prenosa bolezni z delovnim orodjem izvajali dezinfekcijo uporabljenega orodja.

Laboratorijske analize vzorcev so bile izvedene po metodah Laboratorija za varstvo gozdov Gozdarskega inštituta Slovenije LVG SOP/SCIRPI in LVG SOP/SCIRAC. Omenjeni standardni postopki so pripravljeni po priporočilih EPPO (diagnostični protokol PM7/46 (2)) ter po novejših diagnostičnih protokolih, ki vključujejo reakcije PCR s specifičnimi nimi za etničnimi oligonukleotidi za glivi *D. pini* in *D. septosporum* (Ioos in sod., 2010) in ki jih lahko izvajamo tudi na ekstraktih DNA, pridobljenih direktno iz okužene iglice.

Pri vzorcih, kjer je bila ugotovljena gliva *D. septosporum* ali *D. pini* smo ugotavljali paritveni tip, in sicer po metodologiji, ki so jo razvili Groenewald in sod. (2007).

3 REZULTATI IN RAZPRAVA

59

V letu 2012 je bilo za namen posebnega nadzora za glivi *Mycosphaerella dearnessii* in *Mycosphaerella pini* v Laboratoriju za varstvo gozdov GIS pregledanih devet vzorcev s sumom na glivo, ki so bile predmet nadzora. Za omenjene glive je značilna po asna rast, kar otežuje izolacije v iste kulture. Pogoste so tudi hkratne okužbe z drugimi glivami, ki lahko prikrijejo okužbe z glivami *M. dearnessii* oziroma *D. pini* in *D. septosporum*. Zato je za diagnostiko vzorcev s sumom na omenjene glive pomembna implementacija novejših molekularnih diagnostičnih postopkov (Ioos in sod., 2010). Pri večini vzorcev smo izolirali DNA direktno iz okuženih iglic ter izvedli postopek izolacij v iste kulture. Te smo uspešno pridobili le iz treh lokacij, ki so bile predmet nadzora v letu 2012. V analizi smo vključili tudi dva ista izolata, ki sta bila pridobljena v okviru terenskih pregledov JGS-PPD (GIS) v Panovcu in Ljubljani. Na osnovi nukleotidnih zaporedij treh genskih regij (ITS rDNA, EF-1 α , BT2) in primerjav z bazo zaporedij GenBank smo identificirali pridobljene iste izolate do vrstnega nivoja: izolati iz Panovca, Pivke in Radencev – *D. pini*, izolata iz Ljubljane in Voljega Potoka – *D. septosporum* (Piškur in sod., oddano). Zanimiva je primerjava z rezultati molekularnih analiz z DNA, izolirano direktno iz okuženih iglic. Uporaba vrstno specifičnih oligonukleotidov je namreč razkrila, da lahko na isti lokaciji in celo v isti iglici najdemo obe vrsti, torej *D. pini* in *D. septosporum* (Piškur in sod., oddano). Tako je bila npr. na lokaciji Pivka okužba z obema vrstama *Dothistroma*, vendar bi, če bi sklepali le na osnovi pridobljenega istega izolata, imeli lažno negativni rezultat za pojav *D. septosporum*. Ravno tako bi sklepanje le na osnovi uspešnosti pridobljenih istih kultur privredlo do lažno negativnih rezultatov na ostalih lokacijah, kjer je potekalo vzorec. Če povzamemo, vrste *M. dearnessii* v letih 2011 in 2012 nismo potrdili. Vrsti *D. pini* in *D. septosporum* sta bili na območju Slovenije najdeni v gozdnih drevesnicah, parkih, javnih površinah, vrtovih in gozdnih sestojih. V prizadetih borovih sestojih smo potrdili obe vrsti kompleksa *Dothistroma*. V primeru pozitivnih najdb vrst *Dothistroma* v drevesnicah smo priporočili uničenje (sežig) okuženih dreves. V primeru najdb na javnih površinah, vrtovih oziroma v gozdu v skladu s

sprejetim programom posebnega nadzora ukrepov nismo priporo ili. V primeru najdb v gozdu smo predlagali ustrezne gojitvene ukrepe.

Raziskave evropskih izolatov glice *D. septosporum* (teleomorf je *M. pini*) so pokazale visoko genetsko variabilnost, vzrok pripisujejo ve kratnim vnosom gliv na obmoje Evrope in razširjanju glice kot posledici aktivnosti ljudi (npr. Tomšovský in sod., 2012; Groenewald in sod., 2007). Del variabilnosti najverjetnejje izhaja tudi iz spolnega razmnoževanja glice, eprav je najdba teleomorfa in askospor na obmoje ju Evrope omejena (Tomšovský in sod., 2012). Za vrsto *D. pini* do sedaj še niso potrdili obeh paritvenih tipov na obmoje ju Evrope (Barnes in sod., 2011). Analize vzorcev, pridobljenih v posebnem nadzoru v letu 2012 iz obmoja Slovenije ter vzorcev iz leta 2011, so pokazale, da sta v Sloveniji oba paritvena tipa glice *D. septosporum* in en paritveni tip vrste *D. pini*, kar je podobno situaciji v drugih evropskih državah, kjer so zasledili vrsto *D. pini* (Piškur in sod., oddano).

Populacija z visoko genetsko variabilnostjo ima mo an evolucijski potencial in se lahko hitro prilagaja na nove razmere ter lahko predstavlja veliko nevarnost za razvoj novih patogenih oblik glice. Zato je v svetu in Evropi poudarek na omejevanju vnosa novih genotipov na nova obmoja in na uvedbi fitosanitarnih ukrepov za prepre itev razširjanja (Groenewald in sod., 2007). Za nadaljnji razvoj bolezni bo najverjetnejje pomembno, ali bo v evropski prostor vnesen do sedaj neodkrit paritveni tip glice *D. pini*, kar bi povzro ilo ve jo genetsko variabilnost in ve jo možnost nastanka bolj patogenih oblik te glice (Barnes in sod., 2011).

4 SKLEPI

60

Na razli nih lokacijah v Sloveniji smo na osnovi odvzetih vzorcev potrdili kompleks vrst iz rodu *Dothistroma*. Vrste *M. dearnessii* v letih 2011 in 2012 nismo zasledili. Na osnovi molekularnih informacij smo potrdili vrsti *D. septosporum* in *D. pini* na obmoju Slovenije. Dolo itev vrste *D. pini* je prvo poro ilo o omenjeni vrsti v Sloveniji in je tretja najdba v Evropi (po Madžarski in Franciji). Rezultati posebnega nadzora se ujemajo z rezultati podobnih spremeljanj v Evropi, ki nakazujejo hkratno zastopanost obeh vrst, ne le na istem gostitelju pa tudi v isti iglici. Ravno tako lahko na osnovi pregledanih vzorcev sklepamo, da so v Sloveniji isti paritveni tipi vrst *D. pini* in *D. septosporum* kot drugje v Evropi. Rezultati dopoljujejo poznavanje razširjenosti glice *D. pini* v Evropi ter nakazujejo, da je spremeljanje škodljivih organizmov pomembna osnova za ukrepanje ob najdbi bolezni oziroma pri sprejemanju smernic za njeno zatiranje.

5 Zahvala

Prispevek je nastal v okviru programske skupine Gozdna biologija, ekologija in tehnologija (P4-0107). Za financiranje spremeljanja stanja okuženosti borov v Sloveniji se zahvaljujemo Fitosanitarni upravi RS, MKO in Direktoratu za gozdarstvo, lovstvo in ribištvo, MKO. Za sodelovanje pri posebnem nadzoru se zahvaljujemo Zavodu za gozdove Slovenije ter Fitosanitarni in gozdarski inšpekciji.

6 Literatura

- Barnes, I., Crous, P.W., Wingfield, B.D., Wingfield, M.J. 2004. Multigene phylogenies reveal that red band needle blight of *Pinus* is caused by two distinct species of *Dothistroma*, *D. septosporum* and *D. pini*. Studies in Mycology, 50: 551-565.
Barnes, I., Kirisits, T., Wingfield, M.J., Wingfield, B.D. 2011. Needle blight of pine caused by two species of *Dothistroma* in Hungary. Forest Pathology, 41, 5: 361-369
Doroguine, G. 1911. Une maladie cryptogamique du Pin. Bulletin Trimestriel de la Société Mycologique de France, 27: 105-106.
EPPO. 2008. *Mycosphaerella dearnessii* and *Mycosphaerella pini*. EPPO Bulletin, 38: 349-362.
EPPO. 2013. PQR-EPPO database on quarantine pests (available online). www.eppo.int

- Gremmen, J. 1968. The presence of *Scirrhia pini* Funk et Parker in Romania (Conidial stage: *Dothistroma pini* Hulb.). Bulletin Trimestriel de la Société Mycologique de France, 84: 489-492.
- Groenewald, M., Barnes, I., Bradshaw, R.E., Brown, A.V., Dale, A., Groenewald, J.Z., Lewis, K.J., Wingfield, B.D., Wingfield, M.J., Crous, P.W. 2007. Characterization and distribution of mating type genes in the Dothistroma needle blight pathogens. Phytopathology, 97, 7: 825-834.
- Jurc, D. 2007. Bori - *Pinus* spp.: bolezni iglic: *Lophodermium seditiosum*, *Mycosphaerella pini*, *Mycosphaerella dearnessii*, *Cyclaneusma minus* (Pines - *Pinus* spp.: diseases of needles). Gozdarski Vestnik, 65: 209-224.
- Jurc, D., Jurc, M. 2010. *Mycosphaerella dearnessii* occurs in Slovenia. Plant Pathology, 59: 808-808.
- Maček, J. 1975. *Scirrhia pini* Funk et Park., povzročitelj nove bolezni bora v Sloveniji (*Scirrhia pini* Funk et Park., the cause of the new disease of pine in Slovenia). Gozdarski vestnik, 33: 9-11.
- Morelet, M. 1968. De aliquibus in Mycologia novitatibus. Bulletin de la Société des Sciences Naturelles et d'Archéologie de Toulon et du Var, 177: 9.
- Piškur, B., Hauptman, T., Jurc, D. Dothistroma Needle Blight in Slovenia is caused by two cryptic species: *Dothistroma pini* and *Dothistroma septosporum*. (Oddano 2012).
- Tomšovský, M., Tomešová, V., Palovíková, D., Kostovík, M., Rohrer, M., Hanáček, P., Jankovský, L. 2013. The gene flow and mode of reproduction of *Dothistroma septosporum* in the Czech Republic. Plant Pathology, 62: 59–68.